Scopus

Scopus 資料庫簡介與應用

https://www.scopus.com

- Nov 2020
- Jade Li, 李麗娟, Elsevier

Elsevier提供完善的工具幫助研究者更有效率

調查,分 析,評價 選定研究方向和主題

- 掌握最新文獻
- 掌握最重要文獻
- 掌握主題發展趨勢
- 找尋適當合作夥伴

Scopus ScienceDirect

ScienceDirect



- 透過資料庫收錄等方式被推廣
- 透過SNS社群媒體宣傳
- 審視研究影響力-被引用數

Scopus

推廣進 而被引 用

研究者的 工作流程

全文閱 讀,並引 用寫作

- 參考文獻的引用
- 製作參考文獻清單
- 出版倫理的遵守

MENDELEY

ScienceDirect Scopus

期刊選 定,投稿

- 透過期刊指標選擇適當的期刊清單
- 透過投稿系統投遞稿件
- 決定Reviewer審稿人選

今日大綱

- Scopus 資料庫簡介
- 如何快速掌握主題內的相關趨勢與重要研究
- 如何快速掌握重要作者相關研究
- 如何選擇適當期刊投稿
- 如何追蹤主題,作者,期刊
- 其他功能(匯出書目資料)

今日大綱

• Scopus 資料庫簡介

Scopus是世界上最大的摘要引文 資料庫



Scopus的內容涵蓋各領域與文獻類型

Number of journals by subject area**

Physical sciences 13.525

Health sciences 14,583

Social sciences 12,837

Life sciences 7,379

期刊

Journals

24,272

Peer-reviewed journals

270

Trade journals

5,859

Active gold open access journals

>8,000

Articles in press

Full metadata, abstracts and cited references

會議論文

Conference

101K

Conference events

10.2M

Conference papers

Mainly Engineering, mathematics, physics and computer sciences

書

Books

60K

Volumes

788

Books series

1.9M

Items

230,000+

Stand-alone books

Mainly social sciences and arts & humanities Scopus includes content from more than 5,000 publishers and 105 different countries

- 40 different languages covered
- · Updated daily 每天更新
- Multiple regional content types covered (journals, conferences, books, book series)
- 10.6M open access documents

^{*} Numbers as of August 2020. ** Journals may be in multiple subject areas

專業的內容策展篩選 CASB

Expert Curation

There are 100,750* active scholarly titles

Of which 43,947* are peerreviewed Scopus indexes 22,800+



> Titles on Scopus are rigorously reviewed and selected by an independent board of subject matter experts to include 52% of the world's peer-reviewed scholarly literature.



17 Subject Chairs

Source: https://www.elsevier.com/solutions/scopus/how-scopus-works

^{*} Source: Ulrich's Web Global Serials Directory, August 1, 2017

今日大綱

• 如何快速掌握主題內的相關趨勢與重要研究

掌握主題領域相關研究

文獻搜尋

● 文獻 ○ 作者 ○ 機構 進階						
搜尋 crispr		文獻名稱、摘要、關鍵写	<u> </u>			
例如:"Cognitive architectures"AND robots						
→ 29,022 篇文獻結果 →	文獻種類	^				
	Article	(20,965) >				
聚焦	Review	(4,136) >				
	Note	(1,027) >				
	Book Chapter	(1,012) >				
	Editorial	(524) >				
		掌握該主題現階段的研究成果發展以論述,了解未來可能待解決或未解決的				

掌握主題領域相關研究

精簡搜尋結果

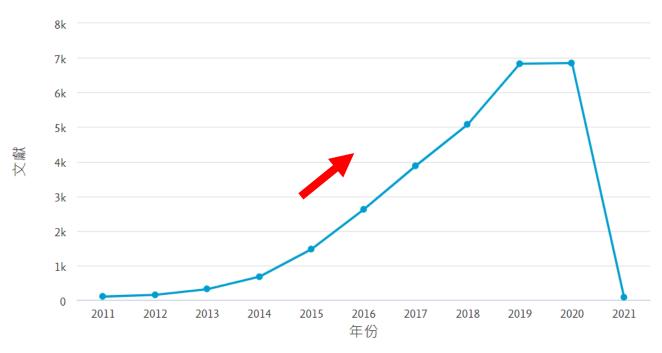
篩選 關鍵字			篩選:	# of results ×
	(15,167) > ☐ Mutation (14,889) > ☐ Animal Tissue (14,418) > ☐ Signal Transduction (14,204) > ☐ CRISPR Associated Protein (11,565) > ☐ In Vitro Study (11,261) > ☐ Pathology (10,431) > ☐ Chemistry (10,404) > ☐ CRISPR (10,232) > ☐ Genome (8,698) > ☐ Enzyme Activity (8,643) > ☐ Cell Proliferation (8,529) > ☐ Genome Editing (8,042) > ☐ Messenger RNA (7,893) > ☐ Cytology (7,495) > ☐ Gene Deletion (5,909) > ☐ RNA	(2,535) >	(1,465) > □ Gene Overexpression (1,413) > □ Human Tissue (1,369) > □ Growth, Development And (1,349) > □ Genetic Therapy (1,309) > □ Genetic Therapy (1,303) > □ Amino Acid Sequence (1,299) > □ Reverse Transcription Polymerase Chain Reaction (1,274) > □ Disease Models, Animal (1,264) > □ Genetic Analysis (1,238) □ Genetic Analysis (1,234) > □ Zebra Fish (1,233) > □ Epigenetics (1,228) > □ Gene Inactivation (1,225) > □ Microbiology (1,199) > □ DNA End Joining Repair	# of results (926) > (926) > (921) > (920) > (905) > (900) > (891) > (890) > (870) > (864) > (862) > (845) > (841) > (834) >
				限制範圍 排除

快速了解主題分佈

Scopus 2020/11/22最新統計

掌握主題領域相關研究趨勢-圖像化分析

按年份劃分的文獻



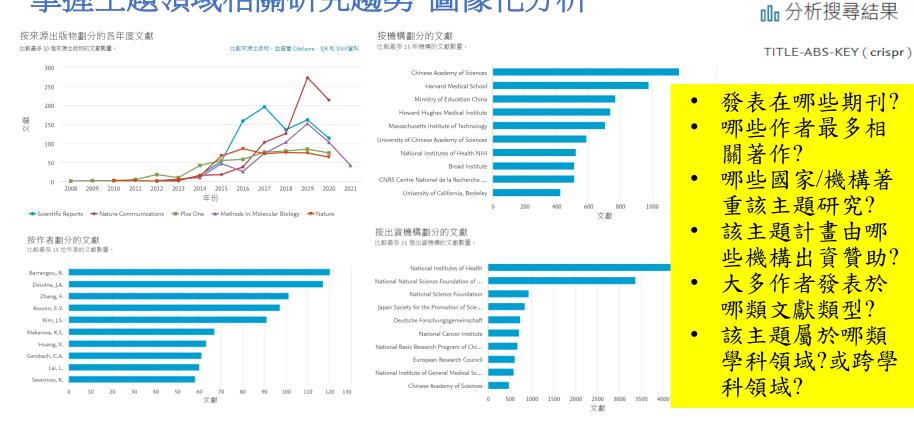
Scopus 2020/11/22最新統計

⋒分析搜尋結果

TITLE-ABS-KEY (crispr)

增長?減少?

掌握主題領域相關研究趨勢-圖像化分析



Scopus 2020/11/22最新統計

掌握最新文獻

	文獻	二次文獻 專利	查看 Mendeley §	查看 Mendeley 數據 (7910) FSQSIM ACCT level link					
	00₀分析	行搜尋結果	顯示所有摘要 排序方式: 日期(降冪)						
	全部	B v 匯出 下載 查看引文概覽 查看引用者 加入清單							
		文獻標題	作者 年份	來源出版物 被以下引用					
×	photobacterium genomes of high influence in aquaculture		Parra, A.E., Antequera, L., 2021 Lossada, C.A., (), Alvarado, Y.J., González-Paz, L.A.	Biointerface 0 Research in Applied Chemistry 11(2), 頁 9513- 9529					
	2	Conquering CRISPR: how phages overcome bacterial adaptive immunity	Malone, L.M., Birkholz, N., 2021 Fineran, P.C.	Current Opinion in 0 Biotechnology 68, 頁 30-36					
		查閱摘要 マ <u>Teate</u> 1 View at Publisher 相關文獻							
	3	Imaging dendritic spines: molecular organization and signaling for plasticity	Suratkal, S.S., Yen, YH., 2021 Nishiyama, J.	Current Opinion in 0 Neurobiology 67, 頁 66-74					

掌握重要文獻-重要技術與成果-高被引文獻

排序方式: 引用次數(最高者先) ⋒分析搜尋結果 顯示所有摘要 查看引文概覽 查看引用者 加入清單 PDF 文獻標題 作者 年份 來源出版物 被以下引用 Multiplex genome engineering using CRISPR/Cas systems 2013 Science 7311 Cong, L., Ran, F.A., Cox, D., (...), 339(6121), 頁 819-Marraffini, L.A., Zhang, F. 查閱摘要 🗸 🗓 cate 👢 1 Cate View at Publisher 相關文獻 A programmable dual-RNA-guided DNA endonuclease in Jinek, M., Chylinski, K., Fonfara, I., (...), 2012 Science 6065 337(6096), 頁 816adaptive bacterial immunity Doudna, J.A., Charpentier, E. 查閱摘要 🗸 \rbrack cate 🛮 1 Cate View at Publisher 相關文獻 RNA-guided human genome engineering via Cas9 Mali, P., Yang, L., Esvelt, K.M., (...), 2013 Science 4953 Norville, J.E., Church, G.M. 339(6121), 頁 823-826 查閱摘要 🗸 \rbrack cate 🛮 1 Cate View at Publisher 相關文獻

掌握重要文獻-高被引文獻

2 CRISPR RNA maturation by trans-encoded small RNA and host factor RNase III

Deltcheva, E., Chylinski, K., Sharma, C.M., (...), Vogel, J., Charpentier, E. 2011 Nature 471(7340), 頁 602-607 1219

查閱摘要 View at Publisher 相關文獻



Nature

Volume 471, Issue 7340, 31 March 2011, Pages 602-607

CRISPR RNA maturation by trans-encoded small RNA and host factor RNase III (Article)

Deltcheva, E.a,b, Chylinski, K.a,b, Sharma, C.M.c, Gonzales, K.b, Chao, Y.c,d, Pirzada, Z.A.b, Eckert, M.R.b, Vogel, J.c,d, Charpentier, E.a,b 🖂

查看其他機構 >

Prof. Charpentier set the wheels in motion following her discovery of a previously unknown molecule, tracrRNA. She published her discovery in 2011.夏彭蒂耶開始追蹤之前一個未知分子的發現,tracrRNA。她於2011年發表了她的發現。

Source: https://www.elsevier.com/connect/honoring-the-2020-nobel-laureates

^aDepartment of Molecular Biology, Umea Centre for Microbial Research (UCMR), Umea University, S-90187 Umea, Sweden

^bMax F. Perutz Laboratories, University of Vienna, A-1030 Vienna, Austria

^cZINF Research Center for Infectious Diseases, University OfWürzburg, D-97080 Würzburg, Germany

掌握研究脈絡(1)

Development and applications of CRISPR-Cas9 for genome engineering

Hsu, P.D., Lander, E.S., Zhang, F.

2014 Cell 157(6), 頁 1262-1278

2609

查閱摘要 🗸 🧻 🚾 🚾 View at Publisher 相關文獻



Cell

Volume 157, Issue 6, 5 June 2014, Pages 1262-1278

Development and applications of CRISPR -Cas9 for genome engineering (Review) (開放存取)

Hsu, P.D.^{a,b,c}, Lander, E.S.^a, Zhang, F.^{a,b} ⋈

摘要

~ 查看參考文獻 (100)

Recent advances in genome engineering technologies based on the CRISPR -associated RNA-guided endonuclease Cas9 are enabling the systematic interrogation of mammalian genome function. Analogous to the search function in modern word processors, Cas9 can be guided to specific locations within complex genomes by a short RNA search string. Using this system, DNA sequences within the endogenous genome and their

掌握研究脈絡(2)

後續的研究發展

細菌中發現

先前的研究基礎





引用-哺乳類動物

Volume 157, Issue 6, 5 June 2014, Pages 1262-1278

Development and applications of **CRISPR** -Cas9 for genome engineering (Review) (開放存取)

Hsu, P.D.^{a,b,c}, Lander, E.S.^a, Zhang, F.^{a,b} ⋈ 🙎



引用1-人類肺腺癌

Call

Volume 159, Issue 2, 9 October 2014, Pages 440-455

CRISPR -Cas9 knockin mice for genome editing and cancer modeling (Article) (開放存取)

Platt, R.J. a,b,c,d, Chen, S. e,f, Zhou, Y. b,c, Yim, M.J. a,b,c,d, Swiech, L. a,b,c,d, Kempton, H.R. a,b,d, Dahlman, J.E. e,g,h, Parnas, O. a,b,c,d, Eisenhaure, T.M. a,k, Jovanovic, M. a,b,c,d, Graham, D.B. a,b,c,d, Heidenreich, M. a,b,c,d, Xavier, R.J. a,b,c,d, Langer, R. a,b,c,d, Anderson, D.G. a,b,c,d, Hacohen, N. a,b,c,d, Regev, A. a,f,f, Feng, G. a,b,c,m, Sharp, P.A. a,f,f a,b,c,d a,f,f a,b,c,d a,f,f a,b,c,d a,f,f a,



引用1-1人類乳腺癌

Cell Death and Disease

Volume 11, Issue 9, 1 September 2020, 論文編號 749

The roles of long noncoding RNAs in breast cancer metastasis (Review) (開放存取)

Liu, L.a, Zhang, Y.b ☒, Lu, J.a ☒ 义 义

文章指標面面觀-研究影響力

CRISPR-Cas9 knockin mice for genome editing and cancer modeling (2014) Cell, 159(2), 頁 440-455

774 引用次數

這份文獻在 Scopus 中被引用的所有次數。

688 在這日期範圍內的引用

- 包含所有引用
- 〇 排除自引項
- 〇 排除書籍中的引用



顯示由一篇文獻獲得的引用與類似文獻的平均值比較

第99個百分比

Biochemistry, Genetics and Molecular Biology

General Biochemistry, Genetics and Molecular Biology



引用標竿分析指標 (Citation Benchmarking)

顯示由一篇文獻獲得的引用與類似文獻的平均值比較。 百分比值達 99 是高,表示文獻在全球前 1%。參考數據 和文獻領域權重引用影響力指數是一樣的。

該領域前1%的文獻

文章指標面面觀-研究影響力

領域加權引用影響指數



顯示一篇文獻在與類似文獻相比之下的引用頻率。 大於 1.00 的數值 表示文獻比預期有更多引用次數。

67.84

FWCI 領域權重引用影響力指數(Field-Weighted Citation Impact)是顯示一篇文獻在與類似文獻相比之下的引用頻率,考慮的因素為出版年份、文件類型,及與出處相關的學科。世界平均值為 1,高於1則表示文獻表現優於世界水準。

比全球平均引用高出66.84倍



Plum Metrics 為網路計量學指標 (Altmetrics),利用主流媒體、學 術社群媒體以及大眾社群媒體的曝 光程度來分析研究文獻的媒介影響 力。



論文與全世界熱門主題的鏈接程度

Cell

Volume 157, Issue 6, 5 June 2014, Pages 1262-1278

Development and applications of **CRISPR** -Cas9 for genome engineering (Review) (開放存取)

Hsu, P.D.^{a,b,c}, Lander, E.S.^a, Zhang, F.^{a,b} ⊠ ≥

SciVal 主題突出性 🛈

主題: Guide RNA | CRISPR Associated Endonuclease Cas9 | Gene Editing

該研究參與的研究主題是前全 球前1%的熱門主題



SciVal 蒐羅了 Scopus® 的全部內容,辨識出將近 97,000 個全球性的研究主題,並以主題指標 Prominence 加以排名。Prominence 是一項全新指標,利用最近期的引用情形、瀏覽次數、以及 CiteScore 指標,歸納出某一主題目前的研究趨勢。

論文與全世界熱門主題的鏈接程度

SciVal 主題突出性 ①

主題: Guide RNA | CRISPR Associated Endonuclease Cas9 | Gene Editing

突出性百分位: 99.980





Guide RNA | CRISPR Associated Endonuclease Cas9 | Gene Editing (T.456)

年份範圍:2015 - 2019

代表性文獻

Cpf1 Is a Single RNA-Guided Endonuclease of a Class 2 CRISPR-Cas System

Zetsche, B., Gootenberg, J.S., Abudayyeh, O.O....

(2015) Cell

Cited 1481 times

In vivo genome editing using Staphylococcus aureus Cas9

Ran, F.A., Cong, L., Yan, W.X....

(2015) Nature

Programmable editing of a target base in genomic DNA without double-stranded DNA cleavage

Komor, A.C., Kim, Y.B., Packer, M.S....

(2016) Nature

Cited 1204 times

Genome-scale transcriptional activation by an engineered CRISPR-Cas9 complex

Konermann, S., Brigham, M.D., Trevino, A.E....

(2015) Nature

Cited 1112 times



Kim, Jinsoo Zhang, Feng Yamamoto, Takashi Gao, Caixia Doudna, Jennifer A.

關鍵詞分析

主要作者



學術產出

62 55

48

43

41

Obstetric Delivery Transgenic Animal Transcriptional Activation Essential Gene Nucleic Acid Deoxyribonuclease I Transcription Activator-like Effector nuclease Mammalian Embryo Site-directed mutagenesis Arabidopsi Swine Repair Homologous Recombination Myostatin Agrobacterium Hepatitis B Virus Induced Pluripotent Stem Cell RNA Editing Microinjection Strand Transcription Activator-like Effector Transcription Activator-Ilike Effector Gene Editing Duchenne muscular Dystrophy. Functional Genomic Germ Cell Human Genome Genetic Therapy Screen Adeno Associated Virus Deletion Locus Mostif Germ Cell Human Genome Genetic Therapy Screen Based On Screen Based On Strain Control of Contro Genetic Disorder CRISPR-cas System Locus Motif Synthetic Biology Genetic Engineering Rice DNA Muclease Streptococcus Group A

DNA Modification Full-acuse Pluripotent Stem Cell RNA Target DNA Modification Endonuclease Pluripotent Stem Cell Gene Targeting Cleavage Targeting Plant Genome Guide RNA CRISPR Associated Endonuclease cas9 Biotechnology Chromatin Protoplast Zinc Fingers

Zinc Fingers

DNA Methylation

Targeting Vision Jacob Vision Visi Bombyx Deoxyribonuclease Gene Knock-in Technique Embryonic Stem Cell Crop Electroporation Hematopoietic Stem Cell Human Embryonic Stem Cell Genetically Modified Organism Stem Cell Genetic Locus Mutation
CRISPR-associated Protein Gene Transfer Technique

AAA 關鍵詞的相關性 | 下滑 AAA 成長

綜合比較關鍵文章的研究影響力

引文概覽

	文獻	引用次數	<2016	2016	2017	2018	2019	2020	小計	>2020	總計
		Tot	al 7657	5228	5987	6084	6096	5470	28865	70	36592
_ 1	The new frontier of genome engineering with CRISPR-Cas9	2014	227	378	443	450	454	382	2107	6	2340
2	Development and applications of CRISPR-Cas9 for genome engin 2014		395	461	456	465	463	367	2212	2	2609
3	Genome-scale CRISPR-Cas9 knockout screening in human cells	2014	353	309	380	370	416	356	1831	3	2187
4	Genome engineering using the CRISPR-Cas9 system	2013	310	495	682	786	950	879	3792	7	4109
5	One-step generation of mice carrying mutations in multiple g	2013	729	344	328	280	247	210	1409	2	2140
6	Repurposing CRISPR as an RNA-γuided platform for sequence-sp	2013	431	266	327	364	346	349	1652	1	2084
7	7 RNA-guided human genome engineering via Cas9		1408	759	788	762	659	567	3535	10	4953
8	Multiplex genome engineering using CRISPR/Cas systems	2013	1579	1075	1229	1239	1136	1034	5713	19	7311
9	A programmable dual-RNA-guided DNA endonuclease in adaptive	2012	1149	839	989	1019	1046	1008	4901	15	6065
<u> </u>	CRISPR provides acquired resistance against viruses in proka	2007	1076	302	365	349	379	318	1713	5	2794

每頁顯示:



個搜霆結果

1

へ頁首

獲取全文



今日大綱

• 如何快速掌握重要作者相關研究

快速查找重要作者

Gersbach, C.A.

Severinov, K.

☐ Charpentier, E.

Lai, L.

✓ 到 2021 28,103 篇文獻搜尋結果 選擇要分析的年份範圍: 2010 按作者劃分的文獻 作者へ 文獻↓ 比較最多 15 位作者的文獻數量。 Doudna, J.A. 116 Doudna, J.A. Barrangou, R. 115 Barrangou, R. Zhang, F. 101 Zhang, F. Koonin, E.V. Koonin, E.V. 92 Kim, J.S. Huang, X. Kim, J.S. 91 Makarova, K.S. Huang, X. 63 Gersbach, C.A. Lai, L. Makarova, K.S. 63

10

20

30

40

50

70

文獻

80

90

100

110

120 130

Severinov, K.

61

60

57

34

快速查找重要作者

作者搜尋

「性」

「大きない」

「大きな



重要作者檔案(高被引作者)

Doudna, Jennifer A.

1991

① Innovative Genomics Institute, Berkeley, United States 顯示所有作者資訊

目前在哪個機構?

sc 7006285665 ① 連線到 ORCID ★ 這是您嗎? 連結到 Mendeley 簡介 是否持續從事相關研究? 文獻與引用趨勢 25 1992 ■ 引用次數: 52

貢獻最多的主題 2015-2019 ①

Guide RNA; CRISPR Associated Endonuclease 41 文獻

近年的研究主題

CRISPR-cas System; CRISPR-associated Protein; Bacteriophages

32 文獻

Argonaute Proteins; RNA-induced Silencing Complex; Double-Stranded RNA **Binding Motif**

5 文獻

被 24194 篇文獻引用 316 篇文獻

■ 文劇 ■ 引用次數

2020

預印本(Preprint) 2020 新增,探 索、追蹤、和共享同儕最新的研 究進展。Scopus 只涵蓋 2017 年 之後的預印本。

查看最新、重要著作

重要作者檔案



Doudna, Jennifer A.

① Innovative Genomics Institute, Berkeley, United States 顯示所有作者資訊 sc 7006285665 🛈 ★ 這是您嗎? 連結到 Mendeley 簡介 Scopus作者ID 可串聯到ORCID 問題。 計量概覽 This author's h-index 99 The h-index is based upon the number of documents and number of citations 316 按作者分類的文獻 45439 Citations 24194 篇文獻的引用次數 99 h-index: 查看 h-graph Documents

ORCID為研究人員及投稿人公開資料庫 (Open Researcher and Contributor ID repository) 的縮寫,屬於非營利性組織。研究人員可免費線上註冊ORCID專屬辨識碼(ID),以解決名字命名不明確,或在多個機構工作,而無法計算正確引用次數的問題。

研究者指標 H-index

是由美國加利福尼亞大學聖地亞哥分校的 Jorge E. Hirsch 教授所發展的混合量化指標,用於評估研究者的學術產出數量與學術產出影響力

H-index 99代表有99篇被引用至少99次

Scopus 串聯ORCID

▼

 \blacksquare

▼

Hsueh, Po-Ren

- ① National Taiwan University Hospital, Taipei, Taiwan Show all author info

PO-REN HSUEH

ORCID ID

https://orcid.org/0000-0002-7502-9225



Also known as

薛博仁

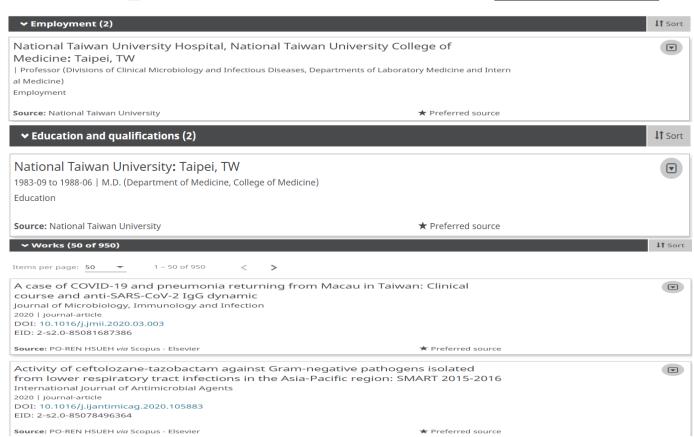
Websites & Social Links

NTU Researcher Profile

Keywords 感染科

Other IDs

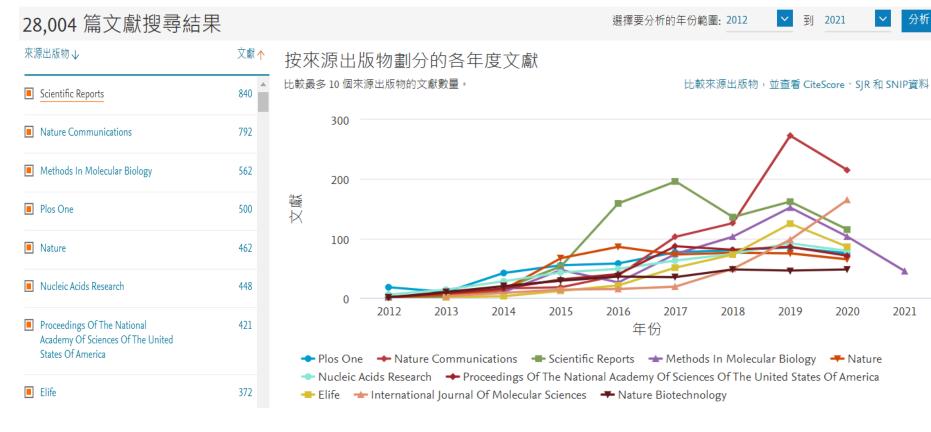
Scopus Author ID: 7103390478 Scopus Author ID: 57215657575



今日大綱

• 如何選擇適當期刊閱讀與投稿

參考文獻來源期刊清單



期刊檔案

Scopus提供3種評量期刊影響力的指標

Nature Communications

Scopus 涵蓋年度: 從 2010 至今

發表者: Springer Nature

國際標準期刊號: 2041-1723

學科類別: Chemistry: General Chemistry

Physics and Astronomy: General Physics and Astronomy

Biochemistry, Genetics and Molecular Biology: General Biochemistry, Genetics and Molecular Biology

查閱所有文獻 >

設定文獻通知

| 儲存到來源出版物清單 | Journal Homepage | 1cate | 1Cate |

BIBSYS

CiteScore 2019 18.1

SJR 2019 5.569

SNIP 2019 2.847

CiteScore 2019

2016 - 2019333,517 個引用次數

2016 - 2019 18,467 篇文獻

計算 06 May, 2020

18.1

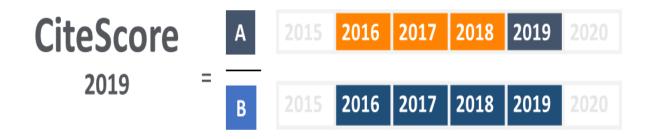
CiteScore 追蹤2020 ①

迄今 372,158 個引用次數 迄今 20.125 篇文獻

最後一次更新:08 November, 2020 • 每個月更新

用CiteScore提供學科期刊影響力排名及追蹤來年期刊表現

期刊影響力指標 CiteScore



CiteScore

A = 2019當年度與過去三年總發表文獻篇數的總引用次數

B = 2019當年度與過去三年總發表文獻篇數 (文獻類型含一般文獻, 回顧型文獻, 會議論文, 數據論文, 與書的章節而排除剛被接受的手稿與預印本)

期刊影響力指標

SJR

Scimago Journal & Country Rank

SJR(SCImago Journal Rank)是藉由學術期刊被引用次數與該引用來源的重要性或聲望性來衡量期刊的影響力,因此被聲望高的期刊所引用,較被一般期刊引用來得顯著,這樣的演算方式突破傳統期刊分析指數單純計算引用次數而無法反映個別引用"來源聲望"的缺陷,也提供了我們在評價學術期刊時的另一種參考指標。註:SJR 計算之時間區間為3年,並將期刊引用本身發行的參考資料限制在33%。

CWTS Journal Indicators

SNIP 全名為 Source Normalized Impact per Paper (標準化影響係數)由荷蘭萊頓大學(University of Leiden) Centre for Science and Technology Studies (CWTS)團隊 Henk Moed 教授所提出,是根據某個主題領域的總引用次數、給予引用權重,進而衡量上下文引用所造成的影響。這個方法就是找出每篇論文中期刊引用的數目與主題領域內引用的可能性之間的比例。其目的在允許直接比較不同主題領域內的資料來源。可以突破傳統 Impact Factor 無法考量不同研究領域的引用情形。。

期刊檔案

Scopus提供3種評量期刊影響力的指標

CiteScore 2019

18.1



 CiteScore
 CiteScore
 超勢
 Scopus 內容涵蓋範圍

 CiteScore
 2019

 2016 - 2019333,517 個引用次數

 2016 - 2019 18,467 篇文獻

 計算 06 May, 2020

CiteScore 追蹤2020 ①

18.5 = 迄今 372,158 個引用次數
迄今 20,125 篇文獻

最後一次更新:08 November, 2020 · 每個月更新

用CiteScore查看五年影響力的變化並追蹤來年期刊表現



期刊檔案

Nature Communications

Scopus 涵蓋年度: 從 2010 至今

發表者: Springer Nature

國際標準期刊號: 2041-1723

學科類別:

Chemistry: General Chemistry

Physics and Astronomy: General Physics and Astronomy

Biochemistry, Genetics and Molecular Biology: General Biochemistry, Genetics and Molecular Biology



CiteScore 排行 2019 ①



用CiteScore查看學科期刊影響力排名

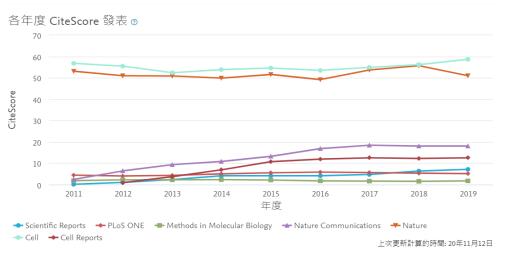
BIBSYS

該領域前4%的期刊

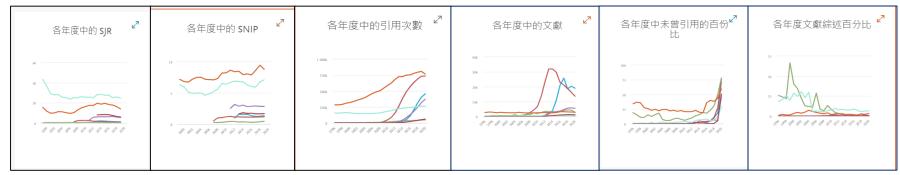
透過CiteScore 找尋學科領域的高被引期刊

來源出版物





比較來源出版物



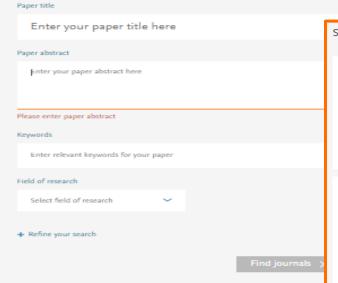


Find journals

Enter title and abstract of your paper to easily find journals that could be best suited for publishing. JournalFinder uses smart search technology and field-of-research specific vocabularies to match your paper to scientific journals.

https://journalfinder.elsevier.com/

> More on how it works 輸入標題,摘要,關鍵字





今日大綱

• 如何追蹤主題,作者,期刊(新知通報)

追蹤主題,作者,期刊(設定新知通報)

29,080 篇文獻結果

TITLE-ABS-KEY (crispr)

❷ 編輯 ❷ 儲存 ♣ 設定新知通報

針對搜尋主題設定新知通報

Nature Communications

Scopus 涵蓋年度: 從 2010 至今

設定文獻通知

針對重要期刊設定新知通報

Doudna, Jennifer A.

① Innovative Genomics Institute, Berkeley, United States 顯示所有作者資訊

針對重要作者設定新知通報









915 篇文獻結果

③ ☼ ṁ Ir

TITLE-ABS-KEY (crispr) AND (LIMIT-TO (EXACTSRCTITLE, "Nature") OR LIMIT-TO (EXACTSRCTITLE, "Science") OR LIMIT-TO (EXACTSRCTITLE, "Cell"))



透過設定新知通報追蹤高被引期刊內相關主題文獻

247 篇文獻結果

TITLE-ABS-KEY (crispr) AND (LIMIT-TO (PREFNAMEAUID, "Doudna, J.A.#7006285665") OR LIMIT-TO (PREFNAMEAUID, "Zhang, F.#56495806800") OR LIMIT-TO (PREFNAMEAUID, "Charpentier, Language Control of the Contr

E.#16169133500"))

❷ 編輯 四 儲存

儲存 ↓ 設定新知通



透過設定新知通報追蹤重要作者相關主題文獻

今日大綱

• 其他功能(匯出書目資料)

匯出書目資料

[□□ 分析搜尋結果 顯示所有摘要 排序方式: 引用次數(最高者先) ✓								
	□ 全部	∨ RIS 匯出 · ✓	下載 查看引文概覽 查看引用	日者 儲存到清單 ··· □ □ 図 □	3				
		文獻標題	輸出文獻設定 ⑦					×	
	1	Multiplex genome en	You have chosen to export 4 documents 選擇您的輸出方式						
K		查閱摘要 V 【cate	● MENDELEY ● Extibits ● SciVal ① RefWorks ● SciVal ②	Secol ASCII 編碼的 HTML 参考管理員					
	2	A programmable dua bacterial immunity	■ 引文資訊	書目資訊	□ 摘要和關鍵字	出資詳情	其他資訊		
		查閱摘要 V 【cate	 □ 作者 □ 作者身分 □ 文獻標題 □ 年份 □ EID □ 來源出版物名稱 	機構□ 連續出版物識別號(例如 ISSN)□ PubMed ID□ 出版商□ 編輯□ 厚始文獻語書	□ 摘要 □ 作者關鍵字 □ 萦引關鍵字	□ 資金註冊編號 □ 資金提供機構縮寫 □ 資金提供機構 □ 出資正文	□ 商標與製造商 □ 編錄號與化學品 □ 會議資訊 □ 包含參考文獻		
	3	RNA-guided human g	 ★ ○ □ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○	ホルス 高品 温記 地址 来源出版物名稱縮寫					
		查閱摘要 V 【cate	■ DOI ■ 存取種類						
	4	Genome engineering <i>開放存取</i>					Cand	el 匯出	

參考資源網站

- 台灣官方網站 https://www.elsevier.com/zh-tw
- Scopus相關網站 https://www.elsevier.com/zh-tw/solutions/scopus
- 選擇適合您投稿的Elsevier期刊網站 http://journalfinder.elsevier.com/
- Honoring the 2020 Nobel Laureates with free access to their research 2020 https://www.elsevier.com/connect/honoring-the-2020-nobel-laureates
- Scopus 網站 https://www.scopus.com/search/form.uri?display=basic
- Elsevier 出版品全文 ScienceDirect 網站 https://www.sciencedirect.com/
- Mendeley 免費書目管理工具 https://www.mendeley.com
- Researcher Academy 研究者學員 https://researcheracademy.elsevier.com/
- Special Thanks to Ryan Huang, Elsevier 生命科學解決方案經理